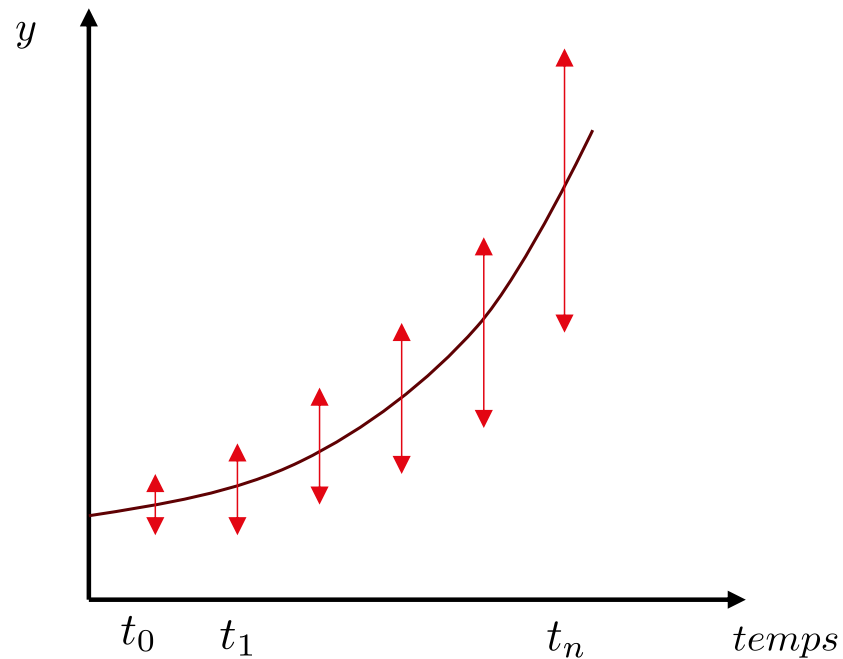


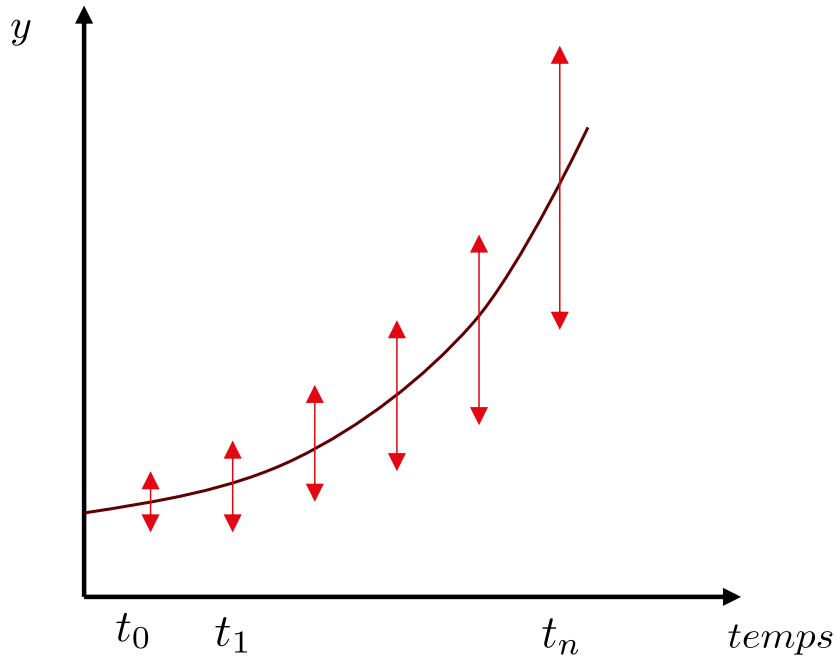
# Agenda – même modèle, mais plus simple!

- Transformation d'un modèle
  - Motivation
  - Procédé
  - Exemple concret de biologie

# Croissance bactérienne



- En comptant les bactéries:
  - L'erreur augment avec le no. de bactéries
  - Ce sont ne pas les cas de triangles ou les mesures avec la même précision!
  - On suppose que le mesures de temps sont parfaits (pas d'erreur selon l'axe horizontal)



- Modèle fonctionnel:

$$\begin{cases} l_1 - v_1 = y_1 = y_0 \cdot e^{b(t_1-t_0)} \\ \vdots \\ l_n - v_n = y_n = y_0 \cdot e^{b(t_n-t_0)} \end{cases}$$

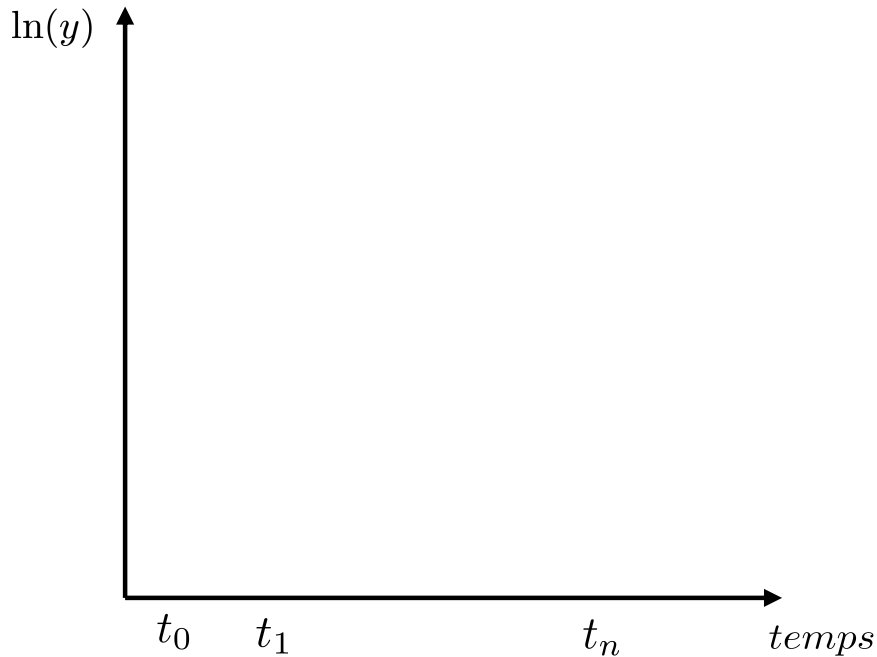
- Modèle stochastique:

$$\sigma_{l_i} \propto l_i \quad \sigma_{l_i} = \underbrace{c}_{\text{une certaine proportion}} \cdot l_i \quad K_{\ell\ell} = c^2 \cdot \begin{bmatrix} l_1^2 & & 0 \\ & \ddots & \\ 0 & & l_n^2 \end{bmatrix}$$

- Paramètres:

$$\mathbf{x} = \begin{bmatrix} y_0 \\ b \end{bmatrix} \quad \text{puis } \hat{\mathbf{x}} + \delta\hat{\mathbf{x}} = \hat{\mathbf{x}} = \begin{bmatrix} \hat{y}_0 \\ \hat{b} \end{bmatrix} \quad \longrightarrow \mathbf{Q}_{\hat{\mathbf{x}}\hat{\mathbf{x}}} = \begin{bmatrix} q_{\hat{y}_0}^2 & q_{\hat{y}_0\hat{b}} \\ q_{\hat{y}_0\hat{b}} & q_{\hat{b}}^2 \end{bmatrix}$$

# Croissance bactérienne – changer les observations



- C'est cas particulière invite à les simplifications:

$$\begin{cases} \ell_1^* - v_1^* = \ln(y_1) = \overbrace{\ln(y_0) + b(t_1 - t_0)}^a \\ \vdots \\ \ell_n^* - v_n^* = \ln(y_n) = \ln(y_0) + b(t_n - t_0) \end{cases}$$

- Modèle stochastique:

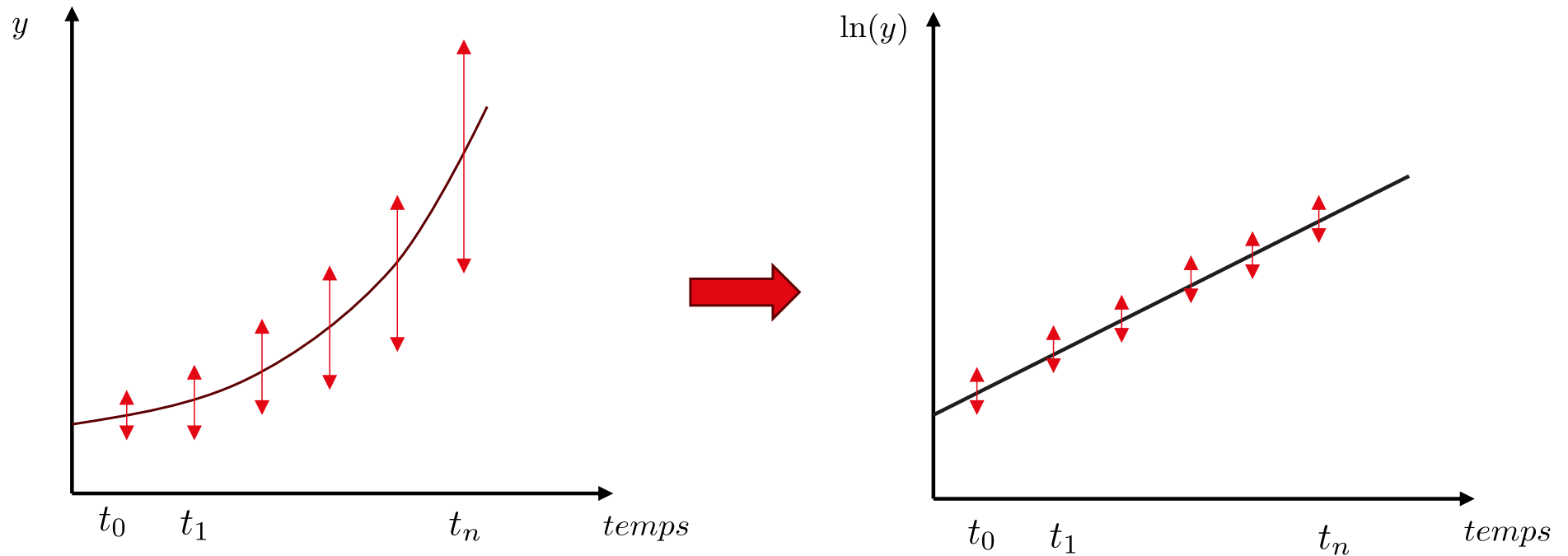
$$\ell_i^* = f(\ell_i) \longrightarrow \frac{\delta \ell_i^*}{\delta \ell_i} = \frac{\partial \ln(\ell_i)}{\partial \ell_i} = \frac{1}{\ell_i}$$

$$\ell_i^* = \begin{bmatrix} \delta \ell_1^* \\ \vdots \\ \delta \ell_n^* \end{bmatrix} = \begin{bmatrix} \frac{1}{\ell_1} & & 0 \\ & \ddots & \\ 0 & & \frac{1}{\ell_n} \end{bmatrix} \begin{bmatrix} \delta \ell_1 \\ \vdots \\ \delta \ell_n \end{bmatrix}$$

- Propagation de variances:

$$\mathbf{K}_{\ell^* \ell^*} = \mathbf{F} \cdot \mathbf{K}_{\ell \ell} \cdot \mathbf{F}^T = c^2 \begin{bmatrix} \frac{1}{\ell_1} \ell_1^2 \frac{1}{\ell_1} & & 0 \\ & \ddots & \\ 0 & & \frac{1}{\ell_n} \ell_n^2 \frac{1}{\ell_n} \end{bmatrix} = c^2 \cdot \underbrace{\mathbf{I}_n}_{\mathbf{Q}_{\ell^* \ell^*}}$$

# Croissance bactérienne - changer les observations



- On obtienne :
  - Comme dans l'exemple de régression linéaire, mais ...

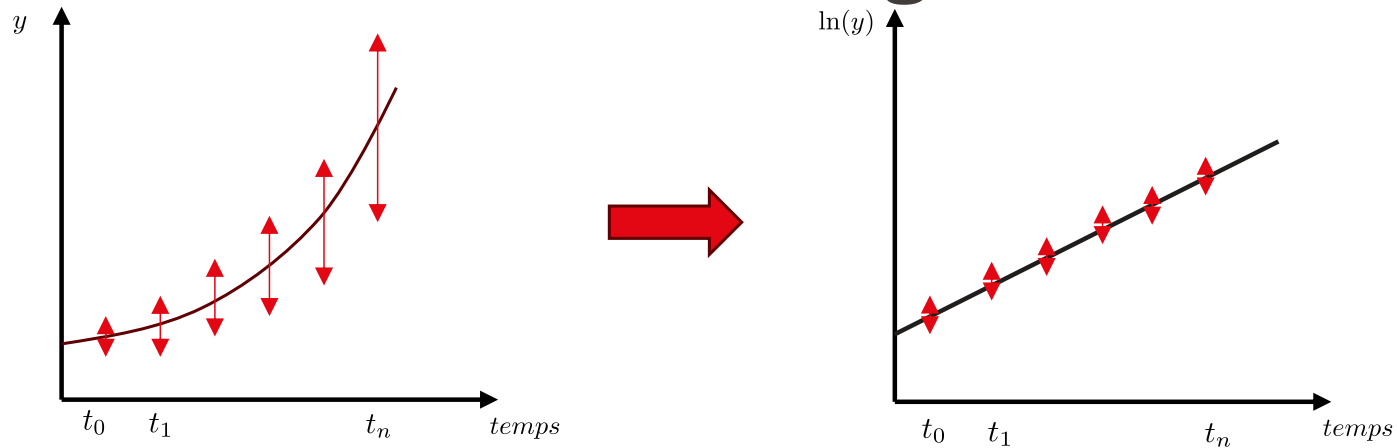
$$\hat{x} = \begin{bmatrix} \hat{a} \\ \hat{b} \end{bmatrix} \longrightarrow \mathbf{Q}_{\hat{x}\hat{x}} = \begin{bmatrix} q_{\hat{a}}^2 & q_{\hat{a}\hat{b}} \\ q_{\hat{a}\hat{b}} & q_{\hat{b}}^2 \end{bmatrix} \quad \hat{a} = \ln(y_0) \implies y_0 = e^{\hat{a}}$$

$$\sigma_{y_0} = ?$$



$\implies$  prop. var

# Croissance bactérienne - changer les observations



- On considère 4 cas :

1.  $y_0$  inconnu



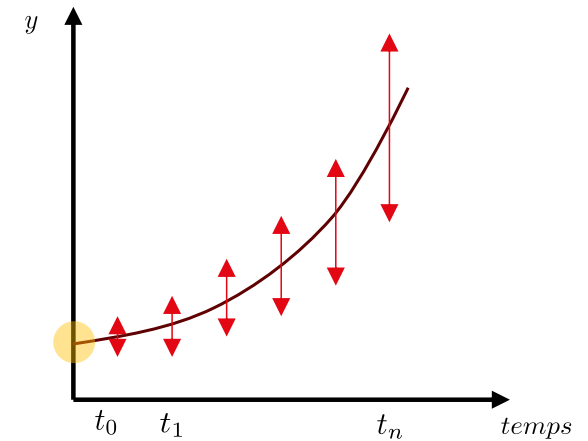
3.  $\sigma_{y_0} = 0$

2.  $y_0$  observé

4. différenciation

# Croissance bactérienne

- cas 2.  $y_0$  observé
  - Nouvelle mesure  $\ell_{y_0} - v_{y_0} = y_0$
  - attention  $\sigma_{\ell_0} \neq \underbrace{c \cdot \ell_0}$   
souvent plus précis
  - → modèle stochastique moins simple!



1.  $y_0$  inconnu



3.  $\sigma_{y_0} = 0$

4. différenciation

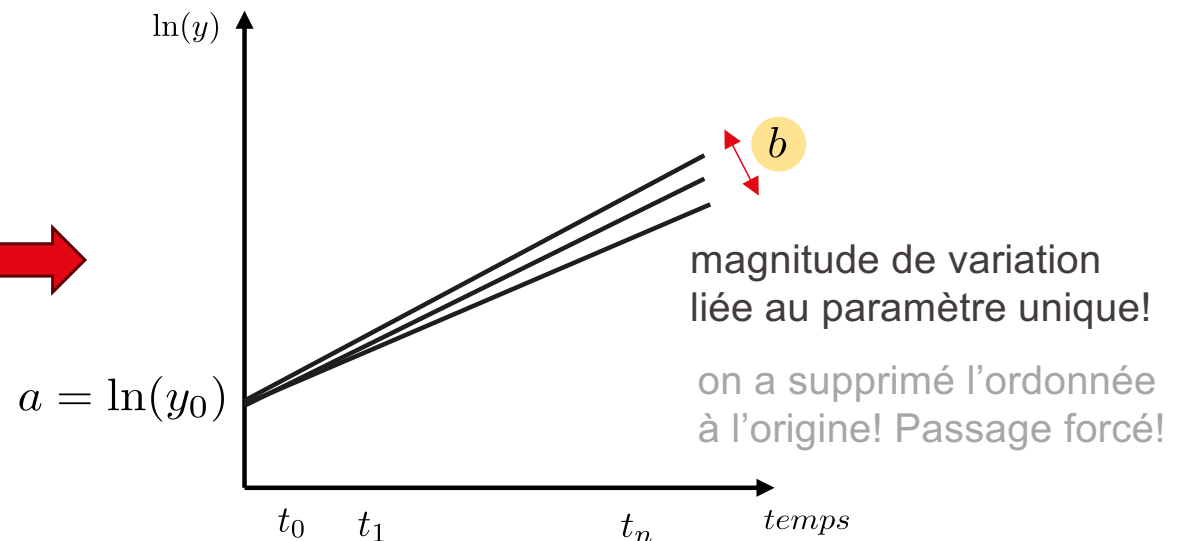
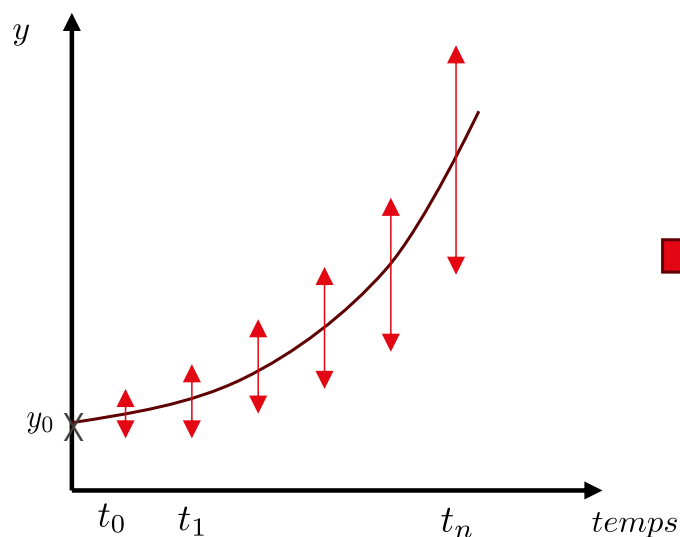
# Croissance bactérienne

- cas  $3. \sigma_{y_0} = 0$ 
  1. Fix  $y_0$  dans le modèle  $\rightarrow$  1 paramètre
  2. Ajouter observation » pseudo »
    - Avec poids 10x  $\rightarrow$  100x plus élevé

$$y_0^* = \ln(y_0) = a$$

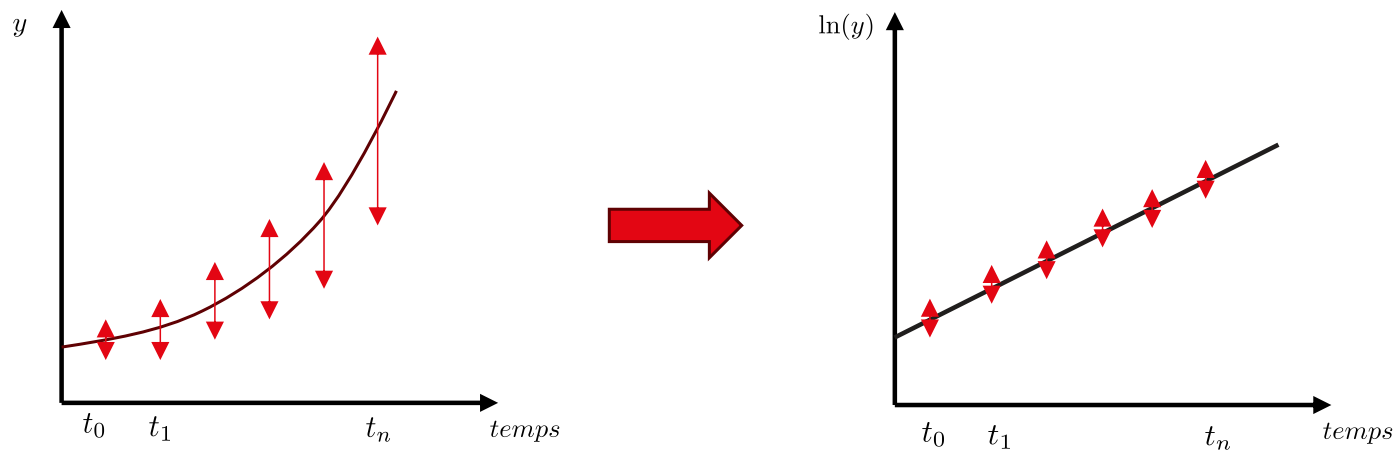
$$y_i^* = y_0^* + b(t - t_0)$$

$$(y_i^* - y_0^*) = b(t - t_0)$$



Régression inadéquate! Mieux – changé l'origine!

# Croissance bactérienne - changer les observations



- On considère 4 cas :

1.  $y_0$  inconnu



3.  $\sigma_{y_0} = 0$



2.  $y_0$  observé



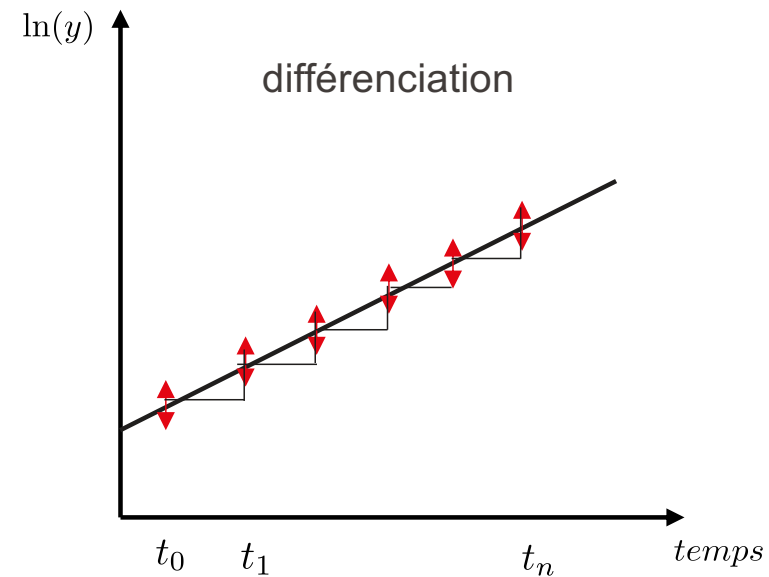
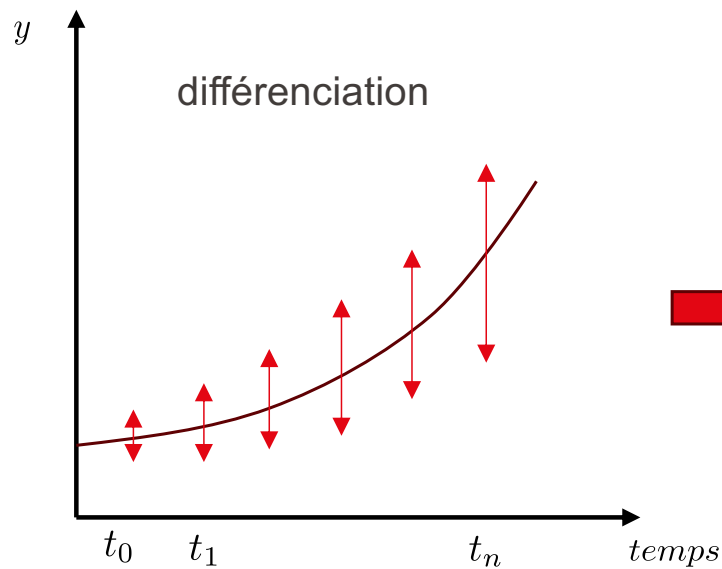
4. différenciation

# Croissance bactérienne - changer les observations

## cas 4. différenciation

1. on diffère les observations dans le temps
  - n-1 observations
  - 1 param. (b)

$$\begin{cases} \ell_1^+ = \ell_2^* - \ell_1^* = (a + bt_2) - (a + bt_1) = b(t_2 - t_1) \\ \vdots \\ \ell_{n-1}^+ = \ell_n^* - \ell_{n-1}^* = b(t_n - t_{n-1}) \end{cases}$$



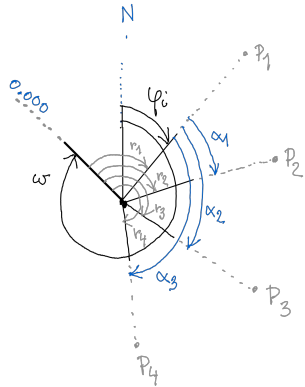
# Croissance bactérienne - changer les observations

■ cas 4. différenciation

- On différence entre les observations dans le temps :
  - (n-1) observations
  - 1 param. (b), (a) a été éliminé

$$\begin{cases} l_1^+ = l_2^* - l_1^* = (a + bt_2) - (a + bt_1) = b(t_2 - t_1) \\ \vdots \\ l_{n-1}^+ = l_n^* - l_{n-1}^* = b(t_n - t_{n-1}) \end{cases}$$

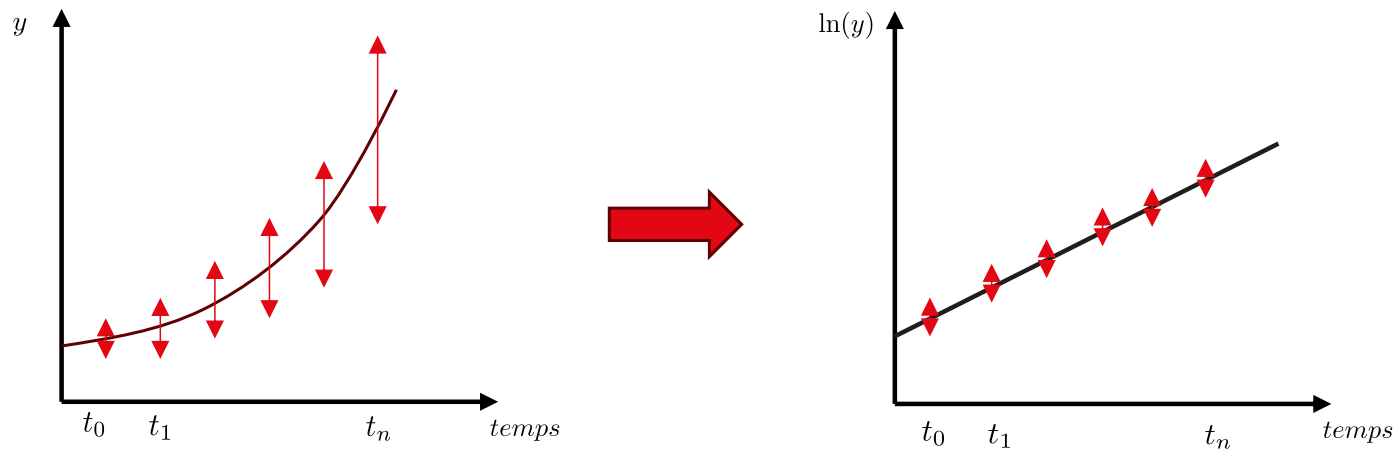
- D'autre implication
  - les différences sont corrélées négativement !
  - rappelle: corrélation induite



$$\begin{bmatrix} l_1^+ \\ \vdots \\ l_{n-1}^+ \end{bmatrix} = \underbrace{\begin{bmatrix} -1 & 1 & & & \\ & & \ddots & & \\ & & & \ddots & \\ & & & & -1 & 1 \end{bmatrix}}_{\mathbf{D}} \begin{bmatrix} l_1^* \\ \vdots \\ l_n^* \end{bmatrix}$$

$$\mathbf{K}_{l+l^+} = \mathbf{D} \cdot \mathbf{K}_{l^*l^*} \cdot \mathbf{D}^T$$

# Changement de observations



## ■ 4 cas :

1.  $y_0$  inconnu



3.  $\sigma_{y_0} = 0$




2.  $y_0$  observé

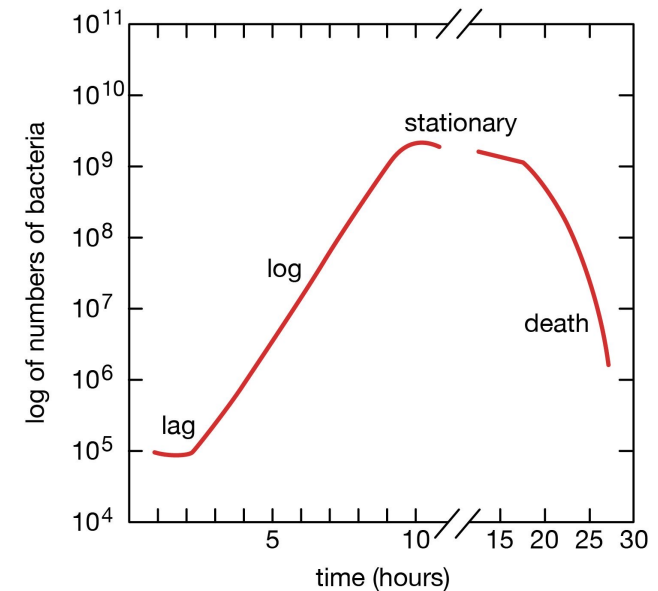


4. différenciation



# Changer les observations - synthèse

- Fonction d'une observation
  - Croissance bactérienne : fonction exponentielle
  - Choix d'un modèle linéaire
  - Adaptation du modèle stochastique
    - par propagation de variance
  - Statut de la population initiale  $y_0$  →  ignorer ou éliminer ≠ fixer
    - inconnue? → régression linéaire avec deux paramètres  $a$  et  $b$   
*modèle fonctionnel et modèle stochastique classiques*
    - observée? → +1 observation; avec le même sigma que les autres?  
*modèle stochastique pas forcément classique*
    - connue? → régression forcée: fixer  $a$  (un seul paramètre: la pente  $b$ )  
*modèle fonctionnel exotique*  
→ pseudo-observation avec un très petit sigma (grand poids)  
*modèle stochastique exotique*



© Encyclopædia Britannica, Inc.